

Видовая идентификация трематод семейства *Notocotylidae* – паразитов утиных

А.А. Виноградова, Е.Е. Прохорова

В работе были изучены редии и мариты родов *Notocotylus* и *Catatropis*. Мариты были получены из кишечника чирка-свистунка (*Anas crecca*) и кряквы обыкновенной (*Anas platyrhynchos*), добытых на территории Ленинградской области.



Рис. 1. Адолескарии *Notocotylus* sp. на раковине *Planorbarius corneus*—промежуточного хозяина.



Рис. 2. Марита *Notocotylus* sp. из *Anas platyrhynchos*.

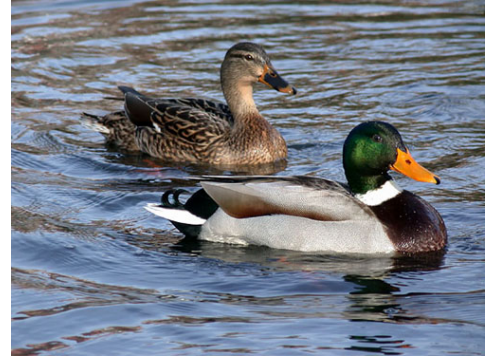


Рис. 3. *Anas platyrhynchos* — один из окончательных хозяев трематод рода *Notocotylus*.

Генотипирование всех образцов осуществляли по Марита из чирка-свистунка оказалась наиболее участку ITS1-5.8S-ITS2 рДНК и по участку 28S рДНК. близка к охарактеризованному ранее морскому Нуклеотидные последовательности (более 4000 п.н.) виду *Catatropis onobae* (GenBank, MT557706). образцов из редий (n=4) оказались идентичными друг Мариты из кряквы кластеризуются в одну другую. Филогенетическая реконструкция показала кладу с другими ранее генотипированными значительную их обособленность от исследованных представителями рода *Notocotylus*. марит и других доступных в GenBank представителей рода *Notocotylus*.

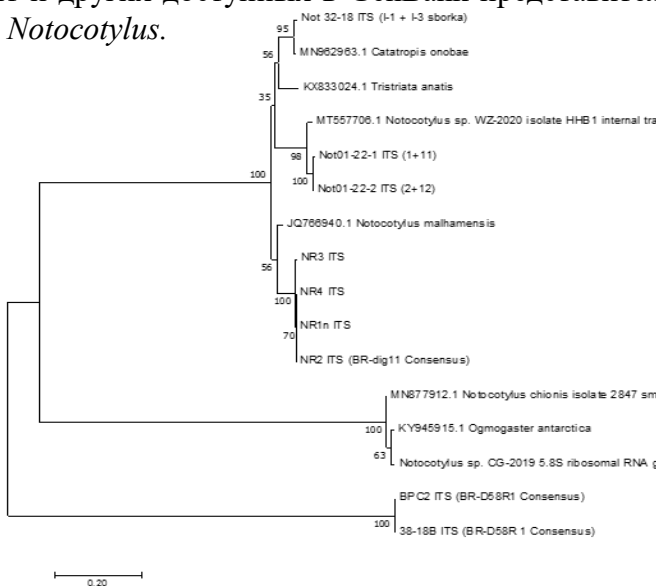


Рис. 4. Филогенетическое дерево, построенное на основе участка кластера рДНК 18S-28S.

Исследование выполнено при финансовой поддержке РФФИ в рамках научного проекта № 22-24-20057.

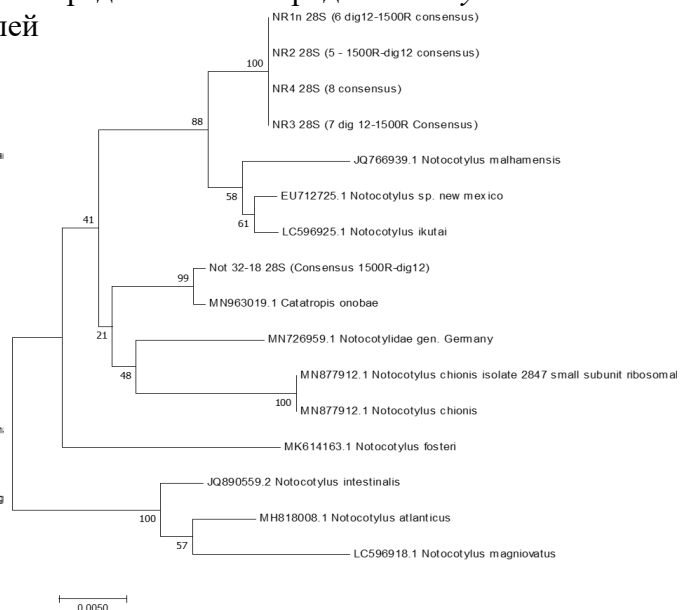


Рис. 5. Филогенетическое дерево, построенное на основе участка кластера рДНК ITS1-5,8S-ITS2.